

# Профильные НММ

# Способы описания множественного выравнивания

Дано: множественное выравнивание

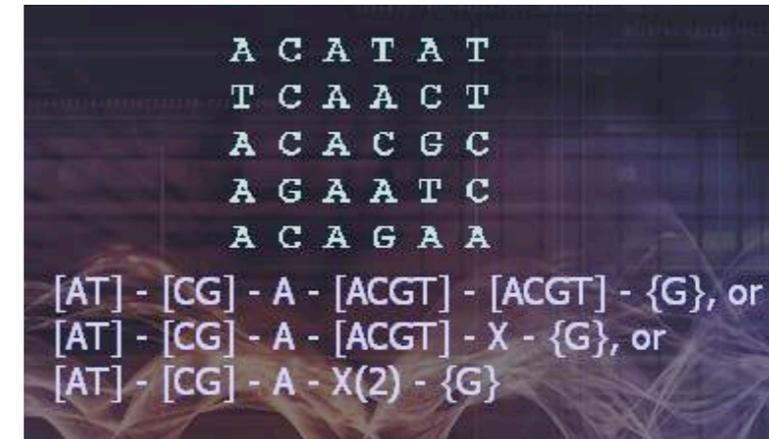
Задача: определить принадлежит ли последовательность данному семейству

```

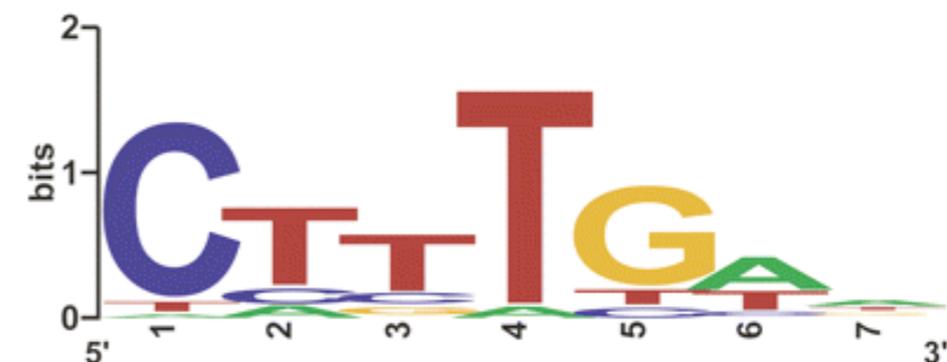
AQP1.PRO  TLGLLLSCQISILRAVMYIIAQCIVGAIIVASAIL
AQP2.PRO  TVACLVGCHVSFLRAAFYVAQLLGAVAGAAAIL
AQP3.PRO  TFAMCFLAREPWIKLPIYTLAQTLLGAFLLGAGIV
AQP4.PRO  TVAMVCTRKISIAKSVFYITAQCLGAIIGAGIL
AQP5.PRO  TLALLIGNQISLLRAVFYVAQLLVGAIAGAGIL
consensus T.A.l....iS.lravfY..AQ.lGAi.GAgIL
    
```

Варианты представления информации о семействе:

- Консенсус - доминирующий остаток в колонке
- Регулярное выражение
- Матрица частот встречаемости

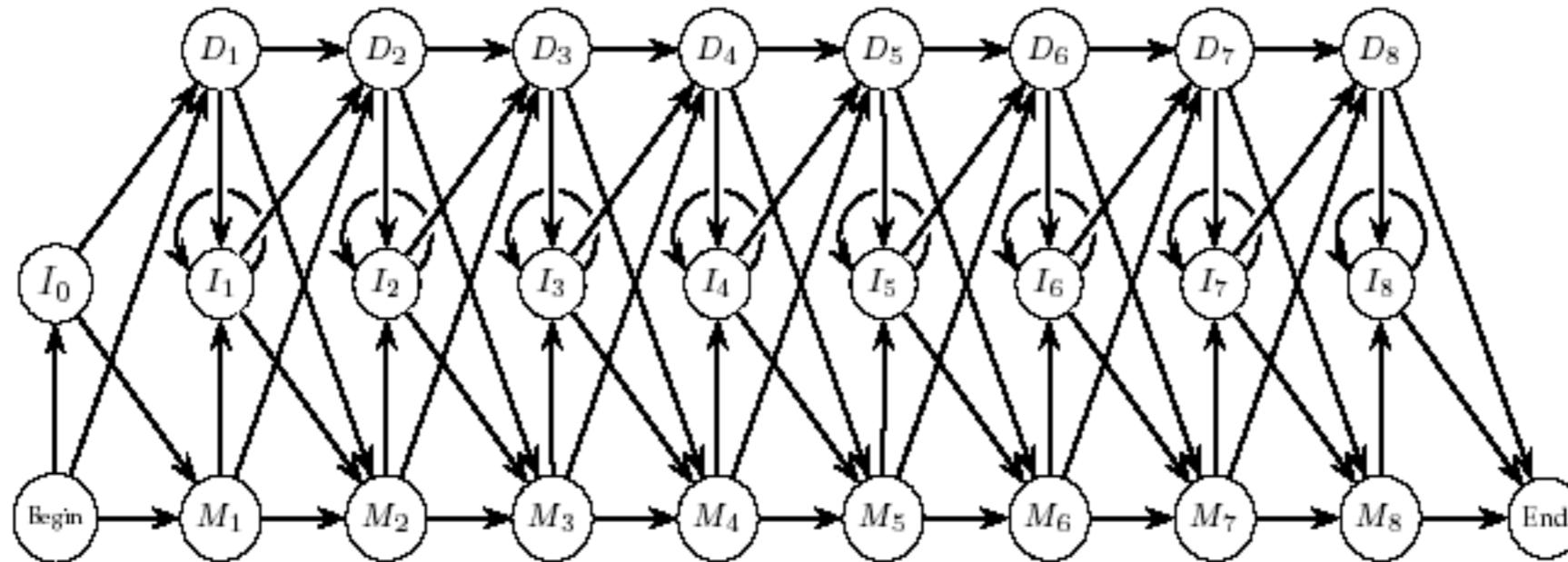


	1	2	3	4	5	6	7
A	1	4	1	2	0	17	13
C	28	5	5	0	3	3	2
G	0	0	4	0	25	1	7
T	2	22	21	29	4	10	9



# Профильная НММ. Структура модели.

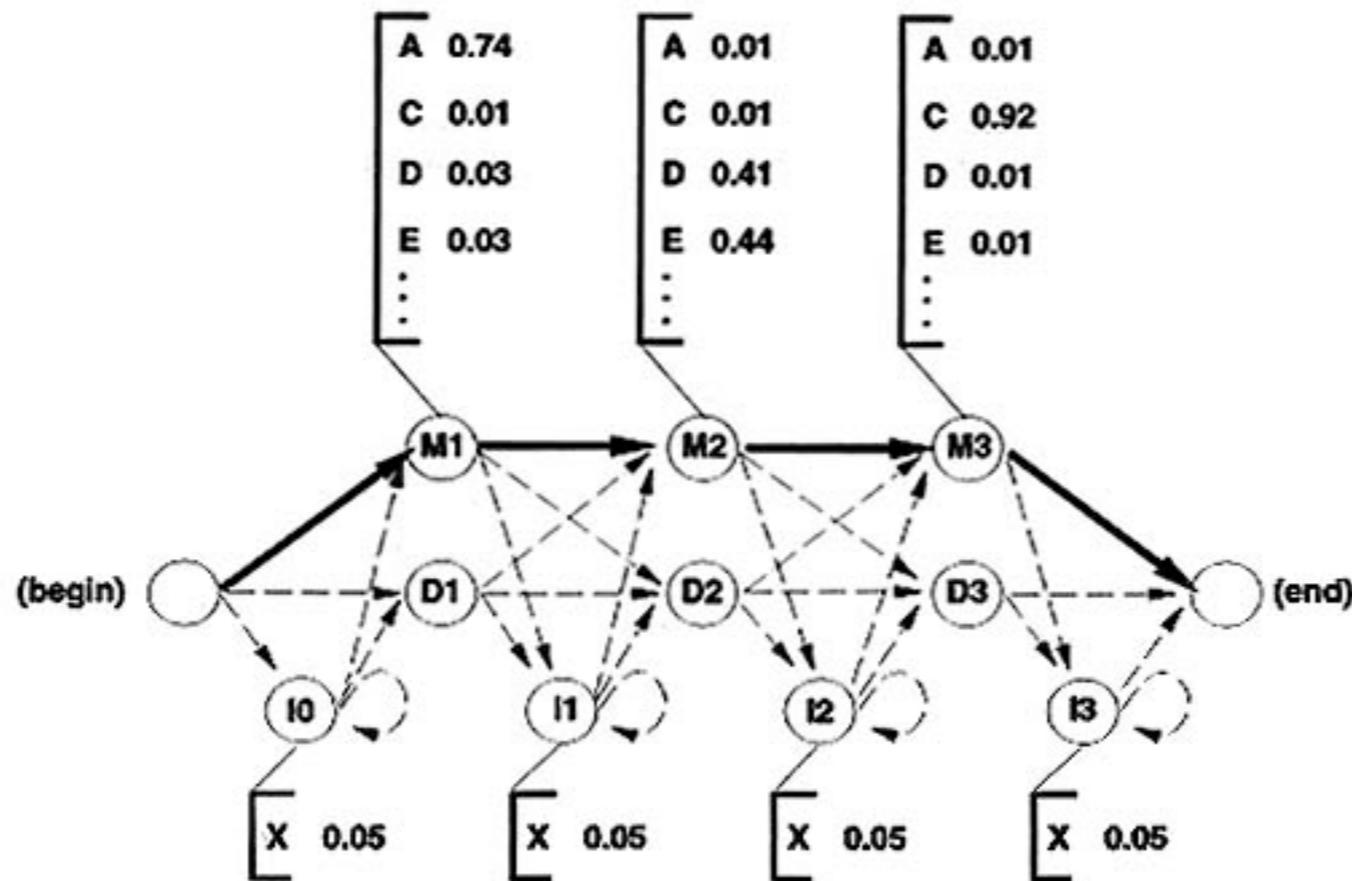
- Профильная НММ - вероятностное представление множественного выравнивания
- Для построения профильной НММ достаточно иметь множественное выравнивание последовательностей
- Построенная модель может быть использована для поиска новых представителей белкового семейства



- $M_1, \dots, M_N, Begin, End$  - состояния совпадений
- $I_0, \dots, I_N$  - состояния вставок
- $D_1, \dots, D_N$  - состояния делеций

# Структура профильной НММ

- Состояния совпадений и вставок имеют эмиссионные вероятности остатков
- Состояния делеций - молчание - не порождают символы



# Поиск при помощи профильной НММ

Вес соответствия последовательности модели - вероятность  $P(x|M)$  можем оценить одним из двух способов:

- Получая наиболее вероятное выравнивание (путь)  $\pi^*$  последовательности  $x$  к модели  $M$  -  $P(x, \pi^* | M)$ .  
Алгоритм Витерби.
- Вычисляя полную вероятность  $P(x|M)$ .  
Алгоритм просмотра вперед.

# Построение профильной НММ по множественному выравниванию

1. Определение структуры (размера) профильной НММ: обычно используется правило назначения состояниями совпадений - колонок выравнивания, не имеющих более 50% делеций.
2. Вероятности переходов и эмиссионные вероятности можно определить используя обычные оценки:

$$a_{kl} = \frac{A_{kl}}{\sum_i A_{ki}}$$

$$e_k(b) = \frac{E_k(b)}{\sum_c E_k(c)}$$

# Псевдоотчеты

- Правило Лапласа: добавление ко всем счетчикам константы

$$e_i(a) = \frac{c_{ja} + C}{\sum_b (c_{jb} + C)}$$

где,  $e_i(a)$  - эмиссионная вероятность остатка  $a$  в колонке  $i$ ;  
 $c_{ja}$  - счетчик аминокислоты  $a$  в колонке  $i$ ;  
 $C$  - константа

- Добавление значений, пропорциональных фоновому распределению остатков

$$e_i(a) = \frac{c_{ja} + Aq_a}{\sum_b c_{jb} + A}$$

где,  $q_a$  - фоновая частота остатка  $a$ ;  
 $A$  - константа

# Построение профильной НММ по множественному выравниванию: пример

Использовать:

для псевдоотчетов - правило Лапласа,

для эмиссионных вероятностей состояний вставок - фоновые вероятности аминокислот, считая их равновероятными.

. . . VGA--HAGEY . . .  
. . . V-----NVDEV . . .  
. . . VEA--DVAGH . . .  
. . . VKG-----D . . .  
. . . VYS--TYETS . . .  
. . . FNA--NIPKH . . .  
. . . IAGADNGAGV . . .

# Благодарности

- При подготовке слайдов использовались материалы лекций:
  - Михаила Гельфанда (ИППИ)
  - Андрея Миронова (МГУ)
  - Serafim Batzoglou (Stanford)
  - Manolis Kellis (MIT)
  - Pavel Pevzner (UCSD)